

Arquivo de ajuda – Atividade 2: O quadro abaixo mostra uma parte do arquivo de resultados de uma análise pairwise no codeml. As anotações e valores destacados são as informações adicionais que você precisará para completar a atividade 2.

```
.  
. .  
. .  
pairwise comparison, codon frequencies: Fequal.  
  
2 (Dp_Amy2) ... 1 (Dm_Amy2)  
lnL = -2693.224697  
0.42514 0.93633 0.17309  
  
t= 0.4251 S= 373.7 N= 1105.3 dN/dS= 0.1731 dN= 0.0642 dS= 0.3709
```

Repare que o modelo que você especificar para calcular as frequências de códon vai aparecer aqui.

Este valor é a estimativa (via ML) do parâmetro κ (a razão das taxas t_s/t_v)

Esta é a estimativa de ML (Máximo Likelihood) do comprimento do ramo (t) entre o par de sequências, que é medida como a média do número de substituições por sítio de codon.

N é o número de sítios não sinônimos.
S é o número de sítios sinônimos.

dN é a taxa de substituições não-sinônimas.
dS é a taxa de substituições sinônimas.